

## 系統のデータシート (見本)

この系統は遺伝子組換え生物に該当 する しない (✓で選択してください)  
 該当 する場合、遺伝子組換え生物の情報提供書(様式(別紙2))の添付をお願いします。

ご記入に関して、ご不明な点はお問い合わせください。

系統名：国際的命名規約に従った系統名をお願いします。ご不明な点はお問い合わせください。

B6.129P2-AAAAtm1Xyy

通称名：論文等で広く使用されている略称等

AAA KO

系統の詳細(特性・用途、関連遺伝子情報等)：

ホームページ等での公開データの参考とさせていただきます。できるだけ詳細な情報の記載をお願いします。

AAAAは腫瘍抑制因子として知られる転写因子であり、ヒトの癌においてこの遺伝子の突然変異が頻繁に発見されている。AAAA 遺伝子の機能を阻害すると、ホモマウスは正常に生まれてくるものの、生後6ヶ月までに様々な部位で癌が発生する。これは様々な組織の細胞が不死し、増殖が盛んになるためと考えられている。がん研究、アポトーシス、細胞周期等の研究に有用である。

系統の詳細系統(開発経緯)：開発者情報、開発年、入手経路等

理研大学・理研太郎(2007年)、理研三郎博士により分与(1990年)

参考文献：PDFファイル等別刷りを添付してください。

YYYY et al., CCCC Journal, 11:123(4):56-76, 2003

XXXX et al., DDDD Journal, 22:333(4):555-666, 2006

系統の由来：

由来となった系統、Tg作製時のインジェクションの受精卵系統、ジーンターゲティングに用いたES細胞名情報等

E14(129P2/OlaHsd)ES細胞を用いて作出。

系統の遺伝的背景(系統育成方法)：系統育成経緯、交配方法等の情報。戻し交配の場合は、背景系統(戻し交配の相手)の系統名(亜系統名ならびにブリーダー名)、現在のY染色体の由来系統についてもご記入ください(原系統or背景系統?)。

C57BL/6 コンジエニツク系統。CAG-cre マウス(B6背景)との交配によりloxPで挟まれた配列を除去後、C57BL/6JJe1に9世代戻し交配を行う。その後、兄妹交配にて維持。交配によりY染色体はB6置換済み。

表現型等所見：致死性、免疫状態、関連遺伝子型等

生後10日齢頃より運動失調(後肢の麻痺)(ホモ型)、免疫不全。

遺伝子の検出方法：

PCR その他( )

特記事項

特になし

輸送に関する費用はすべて当センターが負担します。

生体マウスでの寄託：

遺伝子操作系統については、繁殖旺盛な雄3匹程度をご用意いただき、交配相手に用いる系統をご指定ください。例えばC57BL/6JJe1等、亜系統名または入手ブリーダーをお教え下さい。近交系等兄妹交配により維持している系統は、繁殖旺盛な個体を3ペア程度をご用意ください。輸送個体が決定しましたら、輸送生体個体情報にご記入いただき、メールにてお送りください。輸送個体の微生物検査書がありましたら、添付してください。輸送日程等のスケジュールの調整後、当室が手配した業者が引き取りに伺います。

凍結サンプルでの寄託：

コロニー立ち上げに十分な数の凍結胚・精子の準備をお願いします。融解に必要な溶液、手順等のプロトコールを別途添付ください。輸送サンプルが決定しましたら、輸送凍結情報にご記入いただき、メールにてお送りください。輸送日程等のスケジュールの調整後、当室よりドライシッパーをお送りします。

### PCR Condition Data Sheet

下記にご使用の DNA polymerase の名称およびプライマー配列、検出サイズをご記入ください。PCR の反応条件は不要です。

遺伝子組換えマウスにつきましては、制限酵素地図の情報添付（書式不問）、コンストラクトのシーケンスをお願いします。ポジティブコントロール DNA (plasmid 等) がございましたら、別途送付をお願いします。

Taq product name (catalog No, company)

KOD FX (TOYOBO)

primer #1 name	LCB600	(21 mer)
sequence 5'	GTTTTAAATTTCCTTTAAATTT	3'
primer #2 name	LCB601	(21 mer)
sequence 5'	AAAACCCCGGGGAAATTTTAA	3'
primer #3 name	LCB602	(21 mer)
sequence 5'	TTTTCCCGGAATAAAGGGAAA	3'
primer #4 name		(    mer)
sequence 5'		3'
primer #5 name		(    mer)
sequence 5'		3'
primer #6 name		(    mer)
sequence 5'		3'

PCR-RFLP での検査は行いませんので、下記に野生型、変異型の検査対象領域の塩基配列 (20 bp 以上) をご記入ください。

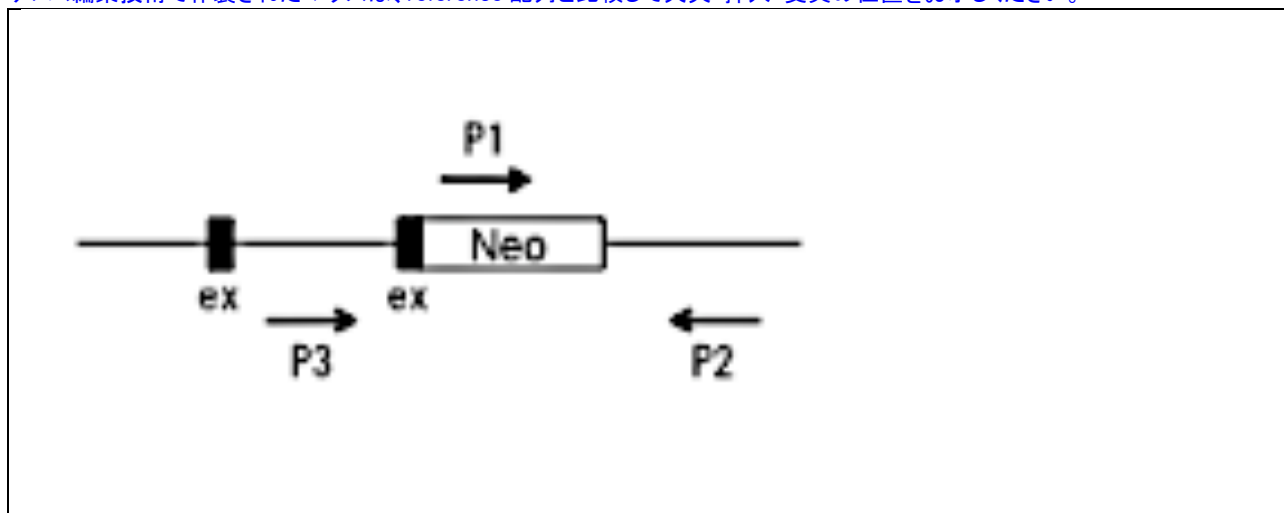
Wild type sequence

Mutant type sequence

primer set		product size	wild or mutant band
primer #1	⇔ primer #2	520 bp	Mutant
primer #3	⇔ primer #2	250 bp	Wild
primer #	⇔ primer #	bp	
primer #	⇔ primer #	bp	

### Figures (Construction Map) :

ゲノム編集技術で作製されたマウスは、reference 配列と比較して欠失・挿入・変異の位置をお示しください。



Other genetic test results: 検出されたものに○をつけてください。

lacZ ·  flp ·  cre ·  hyg ·  neo ·  GFP ·  cas9 ·  puro ·  IRES